



تقرير نتائج تحليل الحمض النووي: تقرير الأصل (كتاب الهجين الجيني)



لا يعتبر هذا التقرير إثباتاً لعرق أو نسب أو قبيلة معينة. جميع النتائج العلمية المدرجة في هذا التقرير توضح إذا كانت التركيبة الجينية الخاصة بك تشابه التركيبة الجينية لمنطقة جغرافية أو عرق محدد حسب الأبحاث العلمية.

كيف تقرأ وتستفيد من المعلومات التي يتضمنها تقرير نتائج تحليل تقرير الأصل (كتاب الهجين الجيني)



كيف تقرأ وتستفيد من تحليل أصول النسب

تعتمد طريقة تحليل شجرة أصول النسب والمقدمة د.جيناتكس على تحليل الشفرة والوراثية الكاملة للشخص، ومن ثم مقارنة مناطق جينية محددة في بعض الكروموسومات يمكن من خلالها معرفة الانحدار العرقي والجغرافي للشخص. وتعتمد التقنية التي تم بها هذا التحليل على طريقتين علميتين:

الجدول الأول – صفحة ٨ (Admixture based calculator):

مقارنة الطفرات في الحمض النووي في بعض الجينات المحددة والمثبتة العلمية مع الشفرة الجينية المرجعية GRCh38 لاستنباط الانحدار العرقي لكل من تلك المتغيرات.

الجدول الثاني – صفحة ١٠ (ML based calculator):

استخدام برامج الذكاء الصناعي عبر البرمجة الحاسوبية عالية التدفق لمقارنة الطفرات في الحمض النووي بناءً على نتائج سابقة مثبتة في الشفرة الجينية المرجعية وقواعد بيانات عالمية أخرى.

كيف تقرأ وتستفيد من المعلومات التي يتضمنها تقرير نتائج تحليل تقرير الأصل (كتاب الهجين الجيني)



"عندما نتحدث بشأن العائلة وبشأن سلالاتنا والأجداد نحن نتحدث عن كل أفراد هذه الأرض." ألكس هالي.

لقد نجحت البشرية في التنوع والوصول الى شتى أقطار الارض وحتى خارجها.

ماهي أول ذكرياتك؟ قد تكون سمعت عن التاريخ من أباك وأجدادك الذين شهدوا الحروب، والكوارث الطبيعية وحتى الثورات والتغيرات السياسية المختلفة على مر الأزمان. جيناتك لديها قصة طويلة لتحكيها. فهي دليل حقيقي على نجاة الإنسان من افتراس الحيوانات العملاقة، وصقيع العصر الجليدي، وارتطام النيازك بسطح الكرة الأرضية، والتحولات الجينية القاتلة لتكون معك اليوم.

لقد سافرت الجينات على نطاق واسع خلال هذه العملية الزمنية التي احتوت على العديد من التطورات، لذلك مع أنك قد تكون عشت طوال حياتك في مدينة واحدة ولم تخرج منها إطلاقاً فجيناتك (على الرغم من ذلك) هي عبارة عن مزيج مختلط من شعوب وثقافات وأعراق إثنية مختلفة وبعيدة عنك تماماً. حيث تعود قصة نشأتنا من عصور قديمة إلى يومنا الحالي وتشير إلى مكون كيميائي بسيط يدل على أننا نعود أجمعنا إلى تلك الوحدة الأساسية، ألا وهو الحمض النووي (DNA).

عملية التطور التي شملت التغيرات البيئية والجينية حولت تلك الوحدة إلى ما يعرف اليوم باختلاف الطفرات ومتغيرات الحمض النووي. ومن تلك القوة الواحدة الحيوية وسعنا فضاءتنا بالهجرة إلى أماكن جديدة. عدة تغيرات ساعدت على هذا التحول، والتي تم تسجيلها بشكل ملحوظ في الحمض النووي الخاص بنا. وقد مكنتنا التطورات الحديثة في مجال العلم والأبحاث والأدوات من دراسة هذا الأمر بشكل أوسع، وباستخدام تلك الأدوات أصبح الآن بإمكاننا استنتاج خديتك العرقي وتركيبتك الجينية واستعدادك الوراثي الخاص بك.

نستطيع تتبع جيناتنا الدالة على آخر أجدادنا الذكور عن طريق الكروموسومات التي تنتقل من الأب والأم إلى أبنائهم وبناتهم. هذا التحليل سيخبرك عن مدى تميزك الفردي، مؤكداً حقيقة أن كل شخص في هذا العالم هو فريد من نوعه.

نتائج فحص السمات الوراثية الخاصة بكم تقرير الأصل (كتاب الهجين الجيني)

أفريقيا:

هجرة الشعوب المعاصرة بدأت حوالي مليوني عام مضى من قارة أفريقيا. كل شعوب العالم اليوم يعود أصلهم إلى أفريقيا. الهجرة من هذه القارة حدثت منذ عدة قرون بسبب ظروف بيئية واجتماعية متعددة. البشر المعاصرين تنقلوا في ربوع أفريقيا وسكنوا مناطق أخرى من العالم.

بيانتنا المصدرية التي تتناول الشعوب الأفريقية تشمل أفراد من عدة مناطق في أفريقيا مثل: أفريقيا الوسطى، الكونغو، السنغال، نيجيريا، ناميبيا، أفريقيا الشمالية، كينا وإثيوبيا.

أقليات عرقية إثنية:

بيكا، بيجي، مباتي، ماندينكا، يوربا، سان، باننو، ماساي، لوهيا، قامبينز، ميندا، إيسان.

غرب آسيا والشرق الأوسط

يعتبر الشرق الأوسط همزة وصل بين أفريقيا الشمالية وأوروبا. بعد الهجرة الأفريقية وصل الجنس البشري إلى الشرق الأوسط وسكنها. لم تكن الهجرة إلى الشرق الأوسط ذات اتجاه واحد بل ضلّت البشر تسافر من وإلى تلك المنطقة بسبب توسع التجارة وخاصة تجارة العبيد خلال القرون الأولى أثرت على النمط الجيني في تلك المنطقة.

يتكون الخليط السكاني في الشرق الأوسط من: الدروز، الفلسطينيين، الأتراك، الإيرانيين، العراقيين، اللبنانيين، اليمنيين، السوريين، القبارصة، السعوديين، الأردنيين، الطاجاكستانيون، التركمان، الأفغان والأوزبك.

أقليات عرقية إثنية:

أوزبكي، هزارة، باشتون، طاجيك، تركمان، دروز، فلسطينيين، براهوي، بلوشي، مكراني، باثان، كلاش، بورشو، أتراك، سوريين، لبنانيين، عراقيين، إيرانيين، أردنيين، سعوديين، يمنيين، أكرا، قبارصة، بارسي، سامريين.

أوروبا

حصل نقص شديد في التعداد السكاني الأوروبي خلال العصر الجليدي الأخير مما تسبب في تناقص التنوع الجيني في تلك المنطقة. ومع ذلك أدت الهجرة الأفريقية إلى إعادة تنامي سكان أوروبا. هذه الهجرة وقعت منذ أربعين ألف عام مضى. آسيا وأفريقيا لعبا دورا هاما في إعادة التوازن السكاني في أوروبا. واحدة من أهم العقود التي لعبت دورا كبيرا في التكون الجيني لأوروبا هو العصر الحجري الحديث الذي ارتبط بانبثاق الزراعة في أوروبا. الأوروبيون كما نعرفهم اليوم هم عبارة عن شعوب من شتى أنحاء أوروبا ومناطق معينة من روسيا.

هذه المناطق تشمل: إيطاليا، فنلندا، إسكتلندا، إنجلترا، أسبانيا، هنغاريا، رومانيا، ليتوانيا، فرنسا، أرخبيل أوركني، روسيا، منطقة البلقان في روسيا، وعدة مناطق من شمال وغرب أوروبا. ولا زالت الهجرة مستمرة من منطقة جنوب آسيا عبر أوروبا.

أقليات عرقية إثنية:

فرنسيين، سردينيين، أوركاديين، إيطاليين، تسكان، باسك، اديقي، سكان أوتاه ذوي الأصول من شمال وغرب أوروبا، دنماركيين، بريطانيين، ليبريين، صروب، وسكان مقدونيا، البوسنة، كوسوفو، مونتيفيرو، لاتثيان، صقلية، سلفانيا، سولفاكيا، روسيا البيضاء، أبهكيانز، بالكرز، شيشان، مورودوثيا، نوفاي، أوكرانيا، بالغاريا، أوسنيا، ميكس، أرمن، جورجيين، شوقاش، رومانيين، هنقاريين، ليتوانيين، أذربيجان، أستونيين، أسبان.

نتائج فحص السمات الوراثية الخاصة بكم تقرير الأصل (كتاب الهجين الجيني)

<h3>جنوب آسيا</h3> <p>يعود أصل سكان جنوب آسيا إلى مستعمرين وصلوا أفريقيا منذ ٦٠,٠٠٠ عام مضى. هذه الشعوب بشكل خاص يظهر بها طفرات جينية عديدة نظرا لطبيعة الزواج الداخلي (زواج الأقارب) في تلك المناطق.</p> <p>يتكون التعداد السكاني لجنوب آسيوي من عدة شعوب وإثنيات أهمها: الهند، باكستان، بنجلادش، نيبال، سيرلنكا. جنوب آسيا وخاصة الهند كانت ومازالت مزيج من عدة إثنيات حيث أنها كانت تحت حكام من شتى السلالات والمناطق والخلفيات الثقافية.</p> <p>أظهرت دراسة جديدة أن ٥٠% من الجنوب آسيويين يعودون إلى أصول هندية.</p>	<h3>أقليات عرقية إثنية:</h3> <p>قوجاراتي، بنجابي، سندهي، سيريلانكي، تاملز، هندي، تليقوس، بنقالي، براهيمييين من أوتار براديش، بورجي، شارمار، دهركار، دوسادة، هو، كالار، كنجار، كول، كشاتريا، مسلمين ذوي أصول أوروبية – هندية، بوليوار، قبيلة من أوتار براديش، فلماس، ناقا.</p>
<h3>شرق آسيا</h3> <p>يعتقد بأن الهجرة إلى آسيا الشرقية حدثت عبر مسارين رئيسيين إحداها خلال آسيا الوسطى وأخرها من جنوب غرب آسيا منذ ٨٠٠٠ عام مضت</p> <p>حيث هاجر البشر المعاصرين إلى مناطق مختلفة من آسيا الشرقية عبر التبت في الهند حتى دول شرق آسيا. الشعوب المشمولة في قاعدة بياناتنا تشمل: الصينيين، اليابانيين.</p>	<h3>أقليات عرقية إثنية:</h3> <p>توجد عدة فئات إثنية تدخل ضمن تركيب الشعب الصيني، اليابانيين، الهان، توجيا، بي، مياو، أوريكون. داو، منغوليا، هايزن، شيبو، داي، لاو، شي، ناكسي، نو، يوجورو، صينيين غير محددین.</p>
<h3>جنوب شرق آسيا</h3> <p>سكان جزر جنوب شرق آسيا هم عبارة عن مزيج عدة إثنيات أهم المناطق التي يسكنونها: جزر جنوب شرق آسيا وجنوب شرق آسيا الرئيسية. أفراد هذه الشعوب هم من: الفلبين، ميانمار، سنغافورا، كمبوديا، فيتنام وبروني. هذه الشعوب تتضمن عدة إثنيات صغيرة كذلك.</p> <p>على الرغم من قرب العلاقة بين آسيا الشرقية وجنوب شرق آسيا تمتلك جنوب شرق آسيا صفات جينية مختلفة تجعلها متفردة بحد ذاتها.</p>	<h3>أقليات عرقية إثنية:</h3> <p>كمبوديا، فيتنام، داسون، كانكاني، فلبين، مالاي، مروت.</p>
<h3>أوكانيا</h3> <p>تعود كلمة أوكانيا إلى الشعوب التي تحيط بمنطقة أستراليا من سكن الجزر مثل: نيوزيلندا، غينيا الجديدة، فيجي، وشعوب عدة تحت هذه المظلة. إحدى مسارات الهجرة من أفريقيا سافرت بعيدا حتى وصلت إلى جزر أستراليا. قد يكون الأوكانيون ورثوا جينات من الدينسوفان (عشيرة بائدة من بني البشر)</p>	<h3>أقليات عرقية إثنية:</h3> <p>ميلانين، بابوز.</p>

نتائج فحص السمات الوراثية الخاصة بكم تقرير الأصل (كتاب الهجين الجيني)

الأمريكيتين

أقليات عرقية إثنية:

قارة أمريكا هي إحدى أواخر القارات المأهولة وقد تكون أكثرها تنوعاً جينياً إلى درجة أن أغلب الأبحاث الجينية القادمة منها يتم رفضها نظراً إلى التنوع الجيني الهائل بتلك المنطقة.

سكن الناس أمريكا منذ ١٥٠٠٠ عام مضت. ويعتقد أن الهجرة إلى تلك المنطقة بدأت من شمال آسيا حتى وصلت إلى أمريكا. هذه المنطقة تتكون من شعوب من إثنيات مختلفة سكنت واستقرت هناك بعد الهجرة.

يتكون أفرادها من شعوب من: أمريكا الوسطى، كولومبيا، بورتوريكو، البرازيل، المكسيك والبيرو.

كولومبيا، سوروي، مايا، كارتينا،
بميا، بورتوريكو، بيروفانز
والمكسيك.

نتائج فحص السمات الوراثية الخاصة بكم تقرير الأصل (كتاب الهجين الجيني)

الخلاصة

بدأت الجينات منذ بدأ الله الخلق على هذا الكوكب. حقيقة أنك تقرأ هذا التقرير الآن يشهد على تمثيلك سلسلة متصلة من الجينات المتوارثة منذ بداية الحياة من عهد أبونا آدم (عليه السلام) على هذه الأرض إنتهاءً بك.

٣٠٠ مليون سنة من الزمان والمكان.

لابد أنك تدرك الآن بأنك أكبر مما حسبتة عن نفسك، إنك تحمل العالم بداخلك. جيناتك الفريدة الظاهرة في تقاسيم وجهك ماهي إلا منظر طبيعي حيوي نقش عبر الزمن وآثار المكان، ولكننا جميعاً نتشارك الأصل والأجداد حيث أننا جميعاً قدمنا من أفريقيا منذ قديم الزمان. كونك استفدت من هذه الخدمة لكي تعرف المزيد عن أجدادك فأنت خطوات أول خطوة نحو توسيع مداركك المعرفية بذاتك وأصولك، يوجد لديك الآن إثبات جيني بأنك في الحقيقة تحمل مجموعة من الجينات التي نجحت بالانتقال رغم كل الظروف حتى تكون أنت ما عليه الآن، ومن شتى بقاع الأرض (سبحان الله).

ترجمته بتصرف: سارة سلامة الجهني.

Chapter 1

Your ancestry composition Admixture based calculator

Global

Population	Composition
West Asian and Middle Eastern	57.25
African	20.13
South Asian	9.52
Oceanian	4.68
Southeast Asian	3.41
American	2.01
East Asian	1.63
European	1.37

African

Population	Composition
Nonspecific African	62.82
Maasai	37.18
Biaka Pygmy	0.00
Luhya	0.00
Mandenka	0.00
Mbuti Pygmy	0.00
San	0.00
Yoruba	0.00

South Asian

Population	Composition
ANI Sindhi	52.66
ANI Gujarati	16.92
ASI Velamas	11.62
ATB Burmese	6.18
ANI Punjabi	3.78
ASI Srilankan Tamils	1.65
AAA Naga	1.56
ANI Dusadh	1.56
ANI Dharkars	1.55
ASI Telugu	1.36
ASI Pulliyar	1.16
ANI Chamar	0.00
ANI Kol	0.00

West Asian and Middle Eastern

Population	Composition
Saudi	35.83
Cyprus	15.79
Palestinian	14.61
Brahui	9.44
Yemenese	5.66
Hazara	5.33
Druze	4.64
Burusho	4.14
Samaritan	1.61
Kalash	1.49
Turkmenistan	0.86
Iranian	0.32
Balochi	0.13
Iraqian	0.07
Parsi	0.07

Chapter 1

Your ancestry composition ML based calculator

Global

Population	Composition
Middle Eastern and North African	100
African	0
American	0
East Asian	0
European	0
Oceanian	0
South Asian	0
Southeast Asian	0

American

Population	Composition
Colombian	0
Karitiana	0
Maya	0
Mexican	0
Peruvian	0
Pima	0
Puerto Rican	0
Surui	0

European

Population	Composition
Ashkenazi Jews	0
Balkan	0
British	0
Finnish	0
French and German	0
Greek and Italian	0
Iberian	0
Scotland	0
Slavic	0

African

Population	Composition
Bantu	0
Biaka Pygmy	0
Esan	0
Gambian	0
Luhya	0
Maasai	0
Mandenka	0
Mbuti Pygmy	0
Mende	0
Nonspecific African	0
San	0
Yoruba	0

East Asian

Population	Composition
Dai Chinese	0
Daur	0
Han Chinese	0
Hezhen	0
Japanese	0
Lahu	0
Miaozi	0
Mongola	0
Naxi	0
Oroqen	0
She	0
Siberian	0
Southern Han Chinese	0
Tu	0
Tujia	0
Uygur	0
Xibo	0
Yizu	0

Middle Eastern and North African

Population	Composition
Egyptians	40
Saudis	32
Yemenese	20
Jordanians	7
Syrians	1
Bedouin	0
Druze	0
Ethiopians	0
Iranian	0
Iranians	0
Iraqi	0
Lebanese	0
Moroccans	0
Mozabite	0
Palestinian	0
Turks	0
Uzbeks	0

Chapter 1

Oceanian

Population	Composition
Bougainville	0
New Guinea	0

South Asian

Population	Composition
Balochi	0
Bengali	0
Bihari	0
Brahui	0
Burusho	0
Gujarati	0
Hazara	0
Kalash	0
Konkani	0
Makrani	0
Malayali	0
Pathan	0
Punjabi	0
Sindhi	0
Tamils	0
Telugu	0

Southeast Asian

Population	Composition
Burmese	0
Cambodian	0
Filipino	0
Malays	0
Murut	0
Vietnamese	0

Chapter 1

Population references used for analysis

Population	Description	Admixture calculator - Population size	Admixture calculator - Sub populations	ML calculator - Population size	ML calculator - Sub populations
Africa	Migration of modern humans started about 2 million years ago out of Africa. All human populations today trace their ancestry back to Africa. Migrations out of Africa happened several centuries ago due to various social and environmental conditions. Modern humans travelled across Africa and populated other regions of the world. Our reference data set for the African population includes individuals from various regions of Africa such as Central Africa, Congo, Senegal, Nigeria, Namibia, South Africa, Kenya and Ethiopia.	1085	Biaka, Pygmy, Mbuti, Pygmy, Mandenka, Yoruba, San, Bantu, Maasai, Luhya, Gambians, Mende, Esan	1085	Biaka, Pygmy, Mbuti, Pygmy, Mandenka, Yoruba, San, Bantu, Maasai, Luhya, Gambians, Mende, Esan
West Asia & Middle East	Middle East can be seen as a link between Northern Africa and Europe. After the out of Africa migration the human species first reached the Middle East and populated this region. The migrations to the Middle East was not one way, rather, there were several back and forth migrations. Expansion of trade including slave trade during the early centuries have influenced the genetic pattern in this region. The Middle Eastern and Central Asian group comprises of individuals from Druze, Palestine, Turkey, Iran, Iraq, Lebanon, Yemen, Syria, Cyprus, Saudi Arabia, Jordan, Tajikistan, Turkmenistan, Afghanistan and Uzbekistan.	557	Uzbeks, Hazara, Pashtun, Tadjik, Turkmen, Druze, Palestine, Brahui, Balochi, Makrani, Pathan, Kalash, Burusho, Turkish, Syrian, Lebanese, Iraqi, Iranian, Jordan, Saudi, Yemen, Kurd, Cyprus, Parsi, Samaritan	-	-
Middle East & North Africa	Middle East can be seen as a link between Northern Africa and Europe. After the out of Africa migration the human species first reached the Middle East and populated this region. The migrations to the Middle East was not one way, rather, there were several back and forth migrations. Expansion of trade including slave trade during the early centuries have influenced the genetic pattern in this region.	-	-	417	Druze, Bedouin, Palestinian, Mozabite, Saudis, Yemenese, Jordanians, Syrians, Lebanese, Turks, Iranian, Iraqi, Uzbeks, Iranians, Ethiopians, Moroccans, Egyptians,

Population	Description	Admixture calculator - Population size	Admixture calculator - Sub populations	ML calculator - Population size	ML calculator - Sub populations
Europe	<p>During the Last Glacial Maximum, severe depopulation occurred in Europe that caused degradation of genetic diversity. However, out-of-Africa migration led to the repopulation of Europe. This migration took place around 30,000- 40,000 years ago. Asia and Africa have played a significant role in populating Europe. One of the most important periods in the European genetic history, the Neolithic period, is associated with the emergence of farming in Europe. The European population dataset contains individuals from all around Europe and certain regions of Russia. The regions include Italy, Finland, Scotland, England, Spain, Hungary, Romania, Lithuania, France, Orkney Islands, Russia, Balkan-Slavic regions and several other Northern & Western European regions. The migration route continued to the South Asian regions through Europe.</p>	1202	<p>Abkhassians, Adygei, Armenian, Azerbaijan, Balkans, Basque, Belarusian, Bosnian, British, Bulgarian, Chechens, Chuvash, Estonian, Finnish, Georgian, Greece, Hungarian, Iberian, Italian, Kosovo, Kumyks, Latvian, Lithuanian, Macedonian, Montenegro, Mordovia, Nogay, North, Orcadian, Ossetia, Romnian, Sardinian, Serbian, Slovakian, Slovenian, Spanish, Tuscan, Ukrainian, Utah Residents (CEPH) with Northern and Western European Ancestry, French,</p>	981	<p>Ashkenazi Jews, Balkan, British, Finnish, French and German, Greek and Italian, Iberian, Scotland, Slavic,</p>
South Asia	<p>The South Asian population originated from colonizers who arrived from Africa 60,000 years ago. This population particularly shows high genetic differentiation due to its endogamous nature. The South Asian reference data set includes individuals from India, Pakistan, Bangladesh, Nepal and Sri Lanka. South Asia especially India has been a mixture of several ethnicities as it was ruled by people of different dynasties, regions & cultural backgrounds. A recent study has revealed that more than 50% of South Asians have Indian ancestry.</p>	671	<p>Bengali, Brahmins from Uttar Pradesh, Burmese, Chamar, Dharkar, Dusadh, Gujarati, Ho, Indian, Kallar, Kanjar, Kol, Kshatriya, Muslims of Indo-European origin, Naga, Pulliyar, Punjabi, Sindhi, SriLankan, Tamils, Telugus, Tribe from Uttar Pradesh, Velmas,</p>	945	<p>Assamese, Awadhi, Balochi, Bengali, Bihari, Brahui, Burusho, Dakhini, EastHindi, Gujarati, Haryanvi, Hazara, Hindustani, Kalash, Kannada, Kashmiri, Konkani, Makrani, Malayali, Marathi, Pahari, Pathan, Punjabi, Sindhi, Tamils, Telugu,</p>
East Asia	<p>Migrations to East Asia are believed to have happened through two major routes: one from Central Asia and one from South East Asia around 80,000 years ago. As modern humans migrated further, they travelled to different regions in East Asia. They migrated through the Austroasiatic and Sino-Tibetan regions of India and reached the East Asian countries. The populations included in our dataset belong to the Chinese and Japanese individuals. There are several ethnic groups included within the Chinese population.</p>	704	<p>Dai, Daur, Han, Hezhen, Japanese, Lahu, Miao, Mongola, Naxi, Nonspecific Chinese, Oroqen, She, Tu, Tujia, Uygur, Xibo, Yi,</p>	738	<p>Dai Chinese, Daur, Han Chinese, Hezhen, Japanese, Lahu, Miao, Mongola, Naxi, Oroqen, She, Siberian, Southern Han Chinese, Tu, Tujia, Uygur, Xibo, Yizu</p>

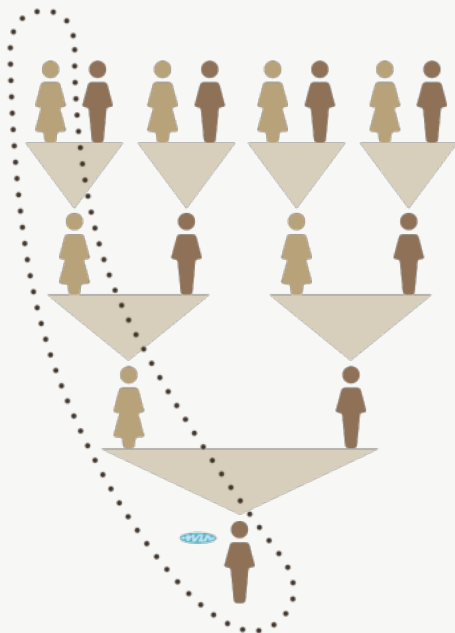
Population	Description	Admixture calculator - Population size	Admixture calculator - Sub populations	ML calculator - Population size	ML calculator - Sub populations
Southeast Asia	The islands of Southeast Asia are a mix of various ethnic groups. The two major groups here are: the islands of Southeast Asian and the mainland of Southeast Asia. The individuals under this dataset are from Philippines, Myanmar, Singapore, Cambodia, Vietnam and Brunei. These major populations include several sub-ethnic groups as well. Though there is close relation between East Asians and Southeast Asians, the latter have certain genetic markers which makes them unique in their own way.	229	Burmese, Cambodian, Dasun, Filipino, Malays, Murut, Vietnamese	364	Burmese, Cambodian, Filipino, Malays, Murut, Vietnamese
Oceania	Oceania refers to people around the Australian regions. The islands such as New Zealand, Papua New Guinea, Fiji and many more come under this population cluster. One of the routes of migration from Africa travelled far and reached the Australian islands. The Oceanians may have inherited genes from Denisovans, an extinct species of humans.	36	Melanesian, Papuan	36	Melanesian, Papuan
Americas	The Americas are a recently populated continent. Perhaps the most genetically diverse population of all, biostatisticians are famous for disfavoured any population based study in the American population due to its vast diversity. The peopling of America took place around 15,000 years ago. The migration must have taken place through the northern part of Asia and reached the Americas. This region has people from different ethnic backgrounds who settled here after migration. Individuals from Central America, Colombia, Puerto Rico, Brazil, Mexico and Peru are included in our dataset.	486	Colombian, Karitiana, Maya, Mexican, Peruvian, Pima, Puerto Rican, Surui	486	Colombian, Karitiana, Maya, Mexican, Peruvian, Pima, Puerto Rican, Surui

Your Maternal Haplogroup

R0a

Haplogroup R is a descendent of Macro Haplogroup N. It has a huge widespread distribution all over Europe, North Africa, the Horn of Africa, the Near East, the Indian Subcontinent, Oceania and the Americas. It populates the Eurasia due to the northern path of migration which was taken by the modern humans during migration. One route of migration reached India where as the other continued to migrate towards the southeast Asia. The Indian Subcontinent is stated as an ideal region for studying the intermingling and explosion of culture and genes. Certain Subgroups of R are frequently observed in the Northwest India and southeast India. Tribal groups such as Chenchus and Koyas show traces of Haplogroup R in them.

Mitochondrial DNA (mtDNA)
Inherited through maternal lineage



Age	Undetermined
Origin	Undetermined
Parent branch	R0
Descendant branch (s)	R0a1 R0a2 R0a2'3 R0a3 R0a4
Found in following locations*	Not available

* - Data from Haplogroup.org and The National Geographic Society's Genographic Project — the DAR.

Your Paternal Haplogroup

R1b1a1a2a1a1c1a2a1~

27,000 Years Before Present (YBP)

Haplogroup R is believed to have occurred somewhere in Northwest Asia between 30,000 and 35,000 years ago. However, most of the rare forms of Haplogroup R chromosomes, as well as most cases of the closely related Haplogroup Q, are found among populations of Central Asia, South Asia, Australia, Siberia, Native Americans, and Cameroon.

The majority of members of haplogroup R belong to the Haplogroup R1, defined by marker M173. R1 is very common throughout Europe and western Eurasia. Its distribution is believed to be associated with the re-settlement of Eurasia following the last glacial maximum. Its main subgroups are R1a (SRY1532) and R1b (M343).

One isolated clade (or clades) of Y chromosomes that appear to belong to Haplogroup R1* (M173-derived) is found at high frequency among the native populations of northern Cameroon in west-central Africa, which is believed to reflect a prehistoric back-migration of an ancient proto-Eurasian population into Africa; some researchers have reported having also detected Haplogroup K2 Y-chromosomes at a low frequency among some of these Cameroonian populations, which also suggests a Eurasian affinity.[1] Some Y-chromosomes that appear to be closely related to the northern Cameroonian R1b1* are found at a substantial frequency among the modern population of Egypt. Many modern populations of northern Cameroon speak Chadic languages, which are classified as an ancient branch of the Afro-Asiatic superfamily of languages; the now extinct language of the Ancient Egyptians also belonged to the same superfamily.

Individuals whose Y-chromosomes possess all the mutations on internal nodes of the Y-DNA tree down to and including M207 (which defines Haplogroup R) but which display neither the M173 mutation that defines Haplogroup R1 nor the M124 mutation that defines Haplogroup R2 are categorised as belonging to group R*. Some instances of Haplogroup R* have been reported from samples of Australian aboriginal populations.

References

This page uses content from the Wikipedia (English) and Familypedia. The original content was at Haplogroup R (Y-DNA). The list of authors can be seen in the page history. The content of Wikipedia is available under the Creative Commons License.

[Wikipedia](#), [Familypedia](#)

الشروط والأحكام وإخلاء المسؤولية



- جميع التحاليل المعلن عنها في متجر بندرجين الإلكتروني ليست تشخيصية وتنحصر الفائدة الإكلينيكية لها مع الأنماط والسمات الصحية لكل شخص بشكل منفصل عن الآخرين. يجب مراجعة الطبيب المختص قبل اتخاذ أي إجراء يتعلق بنتائج هذه التحاليل حيث لن يكون مركز بندرجين الطبي مسؤولاً عن أي إجراء يقوم به العميل استناداً على نتائج هذه التحاليل.
- لا يقوم مركز بندرجين الطبي (فرع شركة مشيخ الطبية أو معهد البحوث والاستشارات بجامعة طيبة) بتقديم أي مشورة طبية بغرض التشخيص ولكن بدلاً عن ذلك فإننا نقوم بتزويدك بمعلومات علمية لفهم وتقييم المخاطر والفوائد الصحية المرتبطة بالنمط الوراثي الخاص بك. مركز بندرجين الطبي يحثك على استشارة الطبيب المختص أو أخصائي التغذية السريرية أو أخصائي الصحة العامة أو الممارس الصحي المؤهل للإجابة على الأسئلة الشخصية الخاصة بك.
- المعلومات التي تم تزويدك بها لا تلغي أو تستبدل أي تشخيص طبي أو نصيحة طبية يمنحها لك الطبيب المختص. كما أن المعلومات العلمية المقدمة لك ليست تشخيصاً وراثياً لأي حالة مرضية. لذلك يجب على الأفراد الذين لديهم مخاوف محددة بشأن حالتهم الصحية أو حالة مرضية محتملة أو أي معلومة خاصة بالاختبارات الجينية التشخيصية أن يقوموا باستشارة الطبيب المختص.
- إن المعلومات المقدمة من مركز بندرجين الطبي ليست شاملة ولا مطلقة، وقد لا تنطبق على حالة الشخص الفردية إذا أخذنا في عين الاعتبار أن المعلومات العلمية في وقت من الأوقات أصبحت غير دقيقة أو قديمة بسبب التقدم العلمي الجديد في مجال التحاليل الجينية والوراثية منذ تاريخ عمل ذلك التحليل. وبمجرد إرسال التقرير لك، فإن مركز بندرجين الطبي لن يقوم بإرسال أي معلومات أو تعليقات أو تحديثات أخرى بشأن التطورات الجديدة التي يتم اكتشافها لاحقاً.
- يُشكّل التقرير المرسل لك كامل نطاق المعلومات التي سيتم تقديمها لك بموجب هذه الاتفاقية. ولا يقدم مركز بندرجين الطبي أي ضمانات أو إقرارات، صريحة أو ضمنية، بأن هذه الخدمة سوف تلي متطلباتك أو توقعاتك حسب نتائج التقرير. كما أن مركز بندرجين الطبي يقوم بإخلاء مسؤوليته عن أي مضاعفات صحية مترتبة على أي إجراء طبي يقوم العميل بإجرائه بناءً على نتائج التقارير المرسلة له.

بعض المراجع العلمية الحديثة في مجال تحليل السمات الجينية



- The integration of epigenetics and genetics in nutrition research for CVD risk factors. Ma Y, Ordovas JM. Proc Nutr Soc. 2017 Aug;76(3):333-346. ([Link](#))
- Genetic Variations Associated with Vitamin A Status and Vitamin A Bioavailability. Borel P, Desmarchelier C. Nutrients. 2017 Mar 8;9(3). ([Link](#))
- Utilizing nutritional genomics to tailor diets for the prevention of cardiovascular disease: a guide for upcoming studies and implementations. Corella D, Coltell O, Mattingley G, Sorlí JV, Ordovas JM. Expert Rev Mol Diagn. 2017 May;17(5):495-513. ([Link](#))
- Gene-Diet Interaction and Precision Nutrition in Obesity. Heianza Y, Qi L. Int J Mol Sci. 2017 Apr 7;18(4). ([Link](#))
- Nutritional modulation of metabolic inflammation. Kirwan AM, Lenighan YM, O'Reilly ME, McGillicuddy FC, Roche HM. Biochem Soc Trans. 2017 Aug 15;45(4):979-985. ([Link](#))
- A multifactorial analysis of obesity as CVD risk factor: Use of neural network based methods in a nutrigenetics context. Valavanis IK, Mougiakakou SG, Grimaldi KA, Nikita KS. BMC Bioinformatics. 2010 Sep 8;11:453. ([Link](#))
- Recent Research in the Genetics of Exercise Training Adaptation. Venezia AC, Roth SM. Med Sport Sci. 2016;61:29-40. ([Link](#))
- Genomic and transcriptomic predictors of response levels to endurance exercise training. Sarzynski MA, Ghosh S, Bouchard C. J Physiol. 2017 May 1;595(9):2931-2939 ([Link](#))
- Advances in Exercise, Fitness, and Performance Genomics in 2015. Sarzynski MA, Loos RJ, Lucia A, Pérusse L, Roth SM, Wolfarth B, Rankinen T, Bouchard C. Med Sci Sports Exerc. 2016 Oct;48(10):1906-16. ([Link](#))